



ESTUDOS DE MODELAGEM ESTRUTURAL DE POLIMORFISMOS DE BASE ÚNICA EM GENES ALVO RELACIONADOS À RESPOSTA A RADIOTERAPIA EM PACIENTES COM CÂNCER DE MAMA

SATYAKI AFONSO NAVINCHANDRA; RENATA BASTOS ASCENÇO SOARES

satyafonso@yahoo.com.br

Objetivo: Acessar através de plataformas de modelagem estrutural, quais as alterações são causadas à estrutura das proteínas pelos polimorfismos selecionados, e como estes genes alvo pesquisados se oferecem como potencial preditivo dos biomarcadores em relação aos **Método:** Foram selecionados três genes, CHEK2, ATM e BRCA2 com base na sua relevância com relação ao câncer mama e à radiorresistência ou radiosensibilidade. Foram realizadas predições sobre a massa molecular, estrutura secundária, regiões desordenadas, composição **Resultados:** Para os genes CHEK2, ATM, e BRCA2, os polimorfismos selecionados foram Ile200Thr, Ser707Pro, e Ile2944Phe, respectivamente. As predições de impactos das trocas Ile200Thr, no gene CHEK2, e Ile2944Phe, no gene BRCA2, sugerem que estas mutações sejam prováveis **Conclusão:** As ferramentas de bioinformática são bastante úteis para caracterização de proteínas como um todo, auxiliam no estudo dos possíveis efeitos de polimorfismos de base única em regiões codificantes, e podem direcionar futuros estudos sobre as possíveis causas

Palavras-chave: Radiogenômica. Modelagem Estrutural. Câncer De Mama