



## **ASSOCIAÇÃO ENTRE POLIMORFISMOS DOS GENES QUE CODIFICAM OS RECEPTORES CELULARES DECTINA-1 E TOLL-LIKE E SUSCEPTIBILIDADE À ASPERGILOSE INVASIVA**

DAIANE DE OLIVEIRA CUNHA; ANTONIO MÁRCIO TEODORO CORDEIRO SILVA; HELLEN DA SILVA CINTRA DE PAULA; VERA APARECIDA SADDI  
daianedeoliveiracunha@hotmail.com

**Objetivo:** Avaliar a associação dos polimorfismos dos genes que codificam os receptores Dectina-1 e Toll-like e a Aspergilose Invasiva **Método:** Trata-se de uma revisão sistemática da literatura, utilizando como base de dados a PubMed e a PMC do NCBI. Os descritores utilizados foram: Invasive aspergillosis, polymorphism, Dectin-1 e Toll-like. A partir do total de 242 artigos encontrados por meio das buscas direcionadas, foram selecionados aqueles que apresentavam os seguintes critérios: ser um estudo do tipo caso-controle, retrospectivo ou coorte, conter informações genéticas relevantes sobre os polimorfismos que estavam sendo estudados e sua associação com a Aspergilose. Além disso, foram excluídos estudos desenvolvidos há mais de 10 anos e aqueles que não foram descritos com foco no objetivo deste trabalho. Atendendo a esses critérios um total de seis artigos foram selecionado. **Resultados:** Vários são os estudos que descrevem os polimorfismos de base única com uma maior susceptibilidade à AI. Os principais são os de genes que codificam os receptores toll-like e os de genes que codificam citocinas e quimiocinas (Dectina-1). Neste, resumimos em detalhes o conhecimento atual sobre os principais marcadores genéticos correlacionados com a patologia em questão. **Conclusão:** Constatou-se que de acordo com estudos já realizados há uma associação significativa de polimorfismos genéticos considerados fatores de riscos à AI, porém estudos mais amplos, com aplicação de meta-análises, devem ser realizados para se obter resultados mais fidedignos.

**Palavras-chave:** Aspergilose Invasiva. Polimorfismo Genético. Susceptibilidade