

ANÁLISE CIENCIOMÉTRICA DO USO DOS MARCADORES MOLECULARES ISSR E SUA APLICAÇÃO EM ESTUDOS GENÉTICOS POPULACIONAIS

Geislane Ricardina Gomes (Acadêmica); Profa. Dra. Flávia Melo Rodrigues (Orientadora)
Contato: rflamelo@ucg.br

O ISSR é um marcador molecular onde seu princípio se baseia na técnica em PCR (reação em cadeia de polimerase) foi desenvolvido a partir da necessidade de explorar repetições microssatélites sem a utilização de seqüenciamento de DNA. O uso desse marcador proporcionou um grande avanço para os pesquisadores em termos de economia e eficiência de sua aplicação em diversos organismos. O mesmo tem sido utilizado para estimar a extensão da diversidade genética a nível inter e intra-específico em uma ampla variedade de espécies. Devido a sua abundância e dispersão no genoma, tem sido muito empregado para estudar relações entre duas populações muito próximas, evidenciando as vantagens econômicas e a evolução biológica que esse tipo de marcador pode trazer. Para isso foi realizado um levantamento bibliográfico no sítio do “Google acadêmico”, disponível entre 2004 a 2008, utilizando a palavra-chave “ISSR, Markers”. A análise qualitativa proporciona conhecimentos para o aprimoramento desse marcador ou um desenvolvimento de um outro tipo de marcador mais eficiente, mas com o mesmo princípio do ISSR. Os resultados obtidos através das análises mostraram que esse tipo de marcador tem sido utilizado com maior frequência em organismos vegetais e o país que mais investiu nesse tipo de pesquisa foi os Estados Unidos. Este presente trabalho teve por objetivo quantificar a partir de uma análise cienciométrica (ciência que estuda o crescimento quantitativo e o desenvolvimento dos paradigmas científicos, observadas através de publicações) o uso do marcador molecular ISSR nos diferentes organismos, propondo um levantamento através de análise de artigos recentes, verificando em qual organismo esta sendo utilizado esse marcador, o país, o nome da revista e o ano de publicação

Palavras-chaves: 1)ISSR; 2)Cienciométrica; 3)Diversidade genética.

Programa: Voluntário/UCG