

ANÁLISE DO POLIMORFISMO DO CÓDON 72 DE P53 EM PACIENTES PORTADORES DE GLAUCOMA PRIMÁRIO DE ÂNGULO ABERTO (POAG) NA CIDADE DE GOIÂNIA

Constanza Thaise Xavier Silva (Acadêmica); Profa. Dra. Kátia Karina Verolli de Oliveira Moura (Orientadora).

Contato: kkverolli@ucg.br

Glaucoma é uma doença óptica neurodegenerativa e é a segunda causa de perda da visão bilateral no mundo, atrás apenas da catarata. O glaucoma primário de ângulo aberto (GPAA) é o tipo mais comum, acometendo metade de todos os casos. Aproximadamente metade dos pacientes com GPAA tem história familiar de glaucoma, e a detecção precoce da doença são cruciais para evitar danos glaucomatosos irreversíveis e minimizar a perda da visão. O gene supressor de tumor *p53* é um gene de cópia única localizado no braço curto do cromossomo 17p13.1 (Storey et al., 1998). Este possui 11 exons, resultando em 2.629 pares de bases e uma proteína com 393 aminoácidos. É considerado como o guardião do genoma e é essencial para a preservação da integridade do genoma. O objetivo do estudo foi trabalhar a padronização de *primers* para análises moleculares no códon 72 de *p53* com pacientes portadores de glaucoma primário de ângulo aberto utilizando a PCR. Foram coletadas amostras de sangue de 100 pacientes brasileiros com GPAA do Pronto Clínica de Olhos em Goiânia. Como controle, 50 indivíduos normais e saudáveis sem história de GPAA foram selecionados entre os pacientes atendidos na mesma clínica. Os 100 pacientes com GPAA apresentaram idade de 13 a 87 anos (média de idade 60.23). Houve 54 mulheres e 46 homens. Os 50 voluntários apresentaram idade de 18 a 77 anos (media de idade 44.95) e estavam isentos de qualquer doença oftalmológica. O alelo Arg72 foi mais comum do que o alelo Pro72 em cada grupo. Desde modo podemos concluir que o polimorfismo Arg/Pro do codon 72 do gene *p53* não foi encontrado associado com o glaucoma em pacientes brasileiros.

Palavras- chaves: 1) polimorfismo; 2) glaucoma; 3) *p53*.

Apoio: PIBIC/CNPq