

**SELEÇÃO DE PRIMERS E AVALIAÇÃO DA REPETIBILIDADE DE
MARCADORES RAPD E ISSR PARA ANÁLISES GENÉTICO-POPULACIONAIS
DE PAU-PAPEL (*Tibouchina papyrus*)**

Eliane Cotrim Batista (Acadêmica); Profa. Dra. Mariana Pires de Campos Telles (Orientadora). Instituto do Trópico Subúmido. Universidade Católica de Goiás.
Contatos: batistaec@gmail.com e tellesmpc@gmail.com

Marcadores moleculares são os dados básicos para os estudos em genética da conservação uma vez que permitem a caracterização da variabilidade genética e da estrutura genética nas populações. A estrutura genética da população refere-se à heterogeneidade na distribuição dos genótipos e da variabilidade genética dentro e entre as populações, a fim de se descrever como essa informação pode ser útil para a conservação e o manejo das espécies. Nesse contexto, marcadores RAPD (*Random Amplified Polymorphic DNA*) e ISSR (*Inter Simple Sequence Repeats*) se caracterizam por serem métodos igualmente sensíveis, rápidos, relativamente simples e que revelam vários locos dispersos pelo genoma. No presente trabalho, foi realizada a seleção de *primers* RAPD e ISSR e a análise da distribuição espacial da variabilidade genética em uma população da espécie *Tibouchina papyrus* (Pohl) Toledo que é uma espécie pertencente à família Melastomataceae, que apresenta uma área de ocorrência natural restrita, limitando-se a algumas áreas de campo rupestre no cerrado. Na população de *T. papyrus* analisada obteve-se 0,2458 de diversidade de Ney (He) e 0,3874 de índice de Shannon (I), para RAPD e respectivamente 0,2330 e 0,3435 para ISSR. Pode-se afirmar que para ambas as técnicas a diversidade genética desta população pode ser considerada moderada com base nas duas estimativas. Além disso, o padrão de distribuição espacial dos indivíduos, em agregado, explica boa parte do padrão espacial intrapopulacional da variabilidade genética nessa população. De modo geral, pode-se observar que a técnica RAPD teve melhor desempenho em relação à técnica ISSR, considerando o número de locos/locos polimórficos obtidos, sendo 147/136 para RAPD e 42/25 para ISSR. Logo para a obtenção de um maior número de locos ISSR, se faz necessário a seleção de um maior número de iniciadores, devido a especificidade de ocorrência de tal seqüência no genoma.

Palavras-chaves: 1) ISSR; 2) RAPD; 3) *Tibouchina papyrus*.

Apoio: PIBIC/CNPq.