

DESENVOLVIMENTO DE PROGRAMAS DE BIOINFORMÁTICA PARA O GENOMA DO AMENDOIM

João Batista Correa Gomes Moreira (Acadêmico); Prof. Dr. Wellington Santos Martins
Núcleo de Pesquisa em Computação. Universidade Católica de Goiás

Este trabalho busca estudar e desenvolver novas abordagens na resolução de problemas presentes no campo de estudo da bioinformática, tendo como principal foco o problema dos alinhamentos de seqüências genéticas. O desenvolvimento de novas técnicas que auxiliem as pesquisas biológicas é muito importante; o estudo do genoma e da diversidade genética de diferentes espécies, neste caso o amendoim, tem sido possibilitado através do uso de ferramentas computacionais que em muito auxiliam os biólogos. Estas novas ferramentas atuam na solução de problemas com enorme velocidade e eficiência, fato bastante evidenciado se comparadas aos métodos utilizados antes da introdução dos métodos computacionais na busca por respostas aos problemas biológicos. O foco na aplicação dos algoritmos genéticos na resolução do problema de alinhamentos de seqüências demonstra uma nova abordagem na busca por algoritmos velozes e eficientes para este tipo de problema.

Palavras Chave: Bioinformática, alinhamento de seqüências, algoritmos genéticos.

Apoio: BIC/UCG.